



ความผันแปรทางพันธุกรรมของยีน *MiR-149* ในผู้ป่วยมะเร็งศีรษะและคอ

SINGLE NUCLEOTIDE POLYMORPHISM OF *MiR-149*  
IN HEAD AND NECK CANCER

สุทธิเกียรติ ดีอิเร็ง

บริษัทวิจัยพนิชช์ฉบับนี้เป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาตามหลักสูตรวิทยาศาสตรบัณฑิต  
สาขาวิทยาศาสตร์ชีวการแพทย์  
คณะวิทยาศาสตร์  
มหาวิทยาลัยรังสิต  
ปีการศึกษา 2561



**SINGLE NUCLEOTIDE POLYMORPHISM OF *MiR-149*  
IN HEAD AND NECK CANCER**

**SUTTIKIAT DEUREH**

**A SENIOR PROJECT SUBMITTED IN PARTIAL FULFILLMENT  
OF THE REQUIREMENTS FOR THE DEGREE OF  
BACHELOR OF SCIENCE IN BIOMEDICAL SCIENCES  
FACULTY OF SCIENCE  
RANGSIT UNIVERSITY  
ACADEMIC YEAR 2018**

นักศึกษา	นายสุทธิเกียรติ ตีอิเระ
รหัสนักศึกษา	5804243
ปริญญา	วิทยาศาสตรบัณฑิต
สาขาวิชา	วิทยาศาสตร์ชีวการแพทย์
ปีการศึกษา	2561
อาจารย์ที่ปรึกษางานวิจัย	ผศ.ดร.วนิดา พงศ์สถาพร
อาจารย์ที่ปรึกษางานวิจัยร่วม	ผศ.ดร.ศิริมา สงวนสิน
เรื่อง	ความผันแปรทางพันธุกรรมของยีน <i>MiR-149</i> ในผู้ป่วยมะเร็งศีรษะและคอ
คำสำคัญ	ความผันแปรทางพันธุกรรม, <i>MiR-149</i> , มะเร็งศีรษะและคอ

## บทคัดย่อ

ไมโครอาร์เอ็นเอ เป็นอาร์เอ็นเอขนาดเล็กที่ไม่มีการแปรรหัส มีบทบาทสำคัญในการควบคุมการแสดงออกของยีน ซึ่งมีผลต่อทำงานของเซลล์ การเกิด Single nucleotide polymorphisms (SNPs) ของยีน *miR-149* (rs2292832) อาจมีผลต่อหน้าที่และการแสดงออกของ mature *miR-149* ที่อาจส่งผลต่อการดำเนินโรคของโรคมะเร็งศีรษะและลำคอ วัตถุประสงค์ของการวิจัยครั้งนี้ เพื่อศึกษาความผันแปรทางพันธุกรรมของยีน *miR-149* (T>C) ต่อความเสี่ยงในการเกิดโรคมะเร็งศีรษะและลำคอ และหาความสัมพันธ์กับลักษณะทางพยาธิคлиничของผู้ป่วยโรคมะเร็งศีรษะและลำคอ โดยศึกษาแบบ case- control study ในผู้ป่วยมะเร็งศีรษะและลำคอ จำนวน 262 ราย เทียบกับคนปกติ จำนวน 289 ราย จากการตรวจจีโนไทป์โดยวิธี Polymerase Chain Reaction - Restriction Fragment Length Polymorphism (PCR-RFLP) พบว่าไม่มีความแตกต่างของความถี่ *miR-149* (T>C) genotypes ระหว่างกลุ่มผู้ป่วยมะเร็งศีรษะและลำคอและกลุ่มคนปกติ ในขณะที่พบความสัมพันธ์ระหว่างความผันแปรทางพันธุกรรมของยีน *mir-149* (T>C) กับลักษณะทางพยาธิคлиничของผู้ป่วยมะเร็งช่องปากที่ทึบงอกถึงการพยากรณ์โรคที่แยกของผู้ป่วยมะเร็งช่องปากอย่างมีนัยสำคัญทางสถิติ ได้แก่ ความหนาของก้อนมะเร็ง ( $p=0.004$ ) ขนาดของก้อนมะเร็ง ( $p=0.008$ ) และระยะในการเกิดมะเร็งของผู้ป่วยมะเร็งช่องปากในระยะที่ 3 และ 4 ( $p=0.016$ ) รวมไปถึงการแพร่กระจายของมะเร็งไปยังต่อมน้ำเหลือง ( $p=0.030$ )

<b>Student</b>	Mr. Suttikiat Deureh
<b>Student ID</b>	5804243
<b>Degree</b>	Bachelor of Science
<b>Program</b>	Biomedical Sciences
<b>Academic year</b>	2018
<b>Research Advisor</b>	Assistant Professor Dr. Wanida Pongsathaporn
<b>Research Co-advisor</b>	Assistant Professor Dr. Sirima Sa-nguansin
<b>Title</b>	Single nucleotide polymorphism of <i>MiR-149</i> in head and neck cancer
<b>Keywords</b>	Single nucleotide polymorphism, MiR-149, Head and neck cancer

## ABSTRACT

MicroRNAs are small non-coding RNAs that play an important role in regulating cellular function by controlling gene expression. Single nucleotide polymorphisms (SNPs) of *miR-149* (rs2292832) may affect the function and expression mature *miR-149*. They may be associated with cancer development and progression of head and neck cancer. The aim of this study was to investigate the association of *miR-149* (T>C) with susceptibility to head and neck cancer and clinico-pathological parameters of head and neck cancer. A case-control study consists of 262 head and neck cancer cases and 289 normal controls. Genotyping of *miR-149* was determined using the polymerase Chain Reaction - Restriction Fragment Length Polymorphism (PCR-RFLP) method. The results revealed that the frequency of *MiR-149* genotypes were not statistically significant different between head and neck cancer cases and controls. Whereas *miR-149* was significantly associated with clinico-pathological parameters of oral cancer, including tumor thickness ( $p=0.004$ ), tumor size ( $p=0.008$ ), tumor stage 3 and 4 ( $p=0.016$ ) of oral cancer patients and significantly associated lymph node involvement ( $p=0.030$ )